

SEQUENCE LISTING



<110> ALAOUI-JAMALI, Moulay, A.
CHO, John, M. J.

<120> REPLICATION PROTEIN A BINDING TRANSCRIPTIONAL FACTOR (RBT1) AND USES THEREOF

<130> SWA-001US1

<140> US 10/069,386
<141> 2000-08-17

<150> PCT/CA2000/000948
<151> 2000-08-17

<150> US 60/149,472
<151> 1999-08-19

<160> 2

<170> FastSEQ for Windows Version 3.0

<210> 1
<211> 591
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>

<223> replication protein A transcriptional factor

<400> 1

atggaggagg	gcttgaagag	gaaacactct	gatttggaaag	aggaggagga	gaggtgggag	60			
tggagtc	caggc	ttca	gagctacc	caagcc	tccgc	atctc	cctag	acaaa	120
gtcc	cag	cgca	gcctgg	ggccc	ccg	acccc	atcc	cataac	180
acc	cct	ccaa	actgc	caggc	tcacttc	ctgg	ctcc	gtcct	240
ccc	cct	ttcc	tgcc	ggat	ttct	ctgt	cag	cc	300
gag	ctgg	gaca	ccat	ttgg	actg	actg	cc	atcc	360
ctcc	aga	atg	ccat	gact	tc	gtg	cc	act	420
tcc	aa	gtc	cc	gact	tt	tc	cc	gtct	480
tac	ttt	gg	cc	ggat	ctt	tt	cc	tt	540
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	591
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	gact	gg	ac	cc	tt	
ttt	gg	gg	cc	ggat	gg				

50	55	60
Leu Gln Ala Ala Leu Arg	Leu Ala Pro Ala Pro Ala Leu Pro Pro Glu	
65	70	75
Pro Leu Phe Leu Gly	Glu Glu Asp Phe Ser Leu Ser Ala Thr Ile Gly	80
	85	90
Ser Ile Leu Arg	Glu Leu Asp Thr Ser Met Asp Gly Thr Glu Pro Pro	95
	100	105
Gln Asn Pro Val Thr Pro Leu Gly	Leu Gln Asn Glu Val Pro Pro Gln	110
	115	120
Pro Asp Pro Val Phe Leu Glu	Ala Leu Ser Ser Arg Tyr Leu Gly Asp	125
	130	135
Ser Gly Leu Asp Asp	Phe Leu Asp Ile Asp Thr Ser Ala Val Glu	140
	145	150
Lys Glu Pro Ala Arg	Ala Pro Pro Glu Pro Pro His Asn Leu Phe Cys	160
	165	170
Ala Pro Gly Ser Trp Glu Trp Asn	Glu Leu Asp His Ile Met Glu Ile	175
	180	185
Ile Leu Gly Ser		190
	195	